**Nowe Techniki Genomowe w Polsce – 7 – 8 kwietnia 2025**

|  |
| --- |
| **7 kwietnia 2025**10:00 – 10:45 – rejestracja uczestników10:45 – 11:00 – rozpoczęcie konferencji i przywitanie uczestników |
| **11:00 – 13:00****Sesja 1. Aspekty społeczno-prawne**Prowadzą: prof. dr hab. Tomasz Twardowski - KB PAN; prof. dr hab. Paweł Krajewski – KNA PAN |
|  | Imię, nazwisko, stopień naukowy | Afiliacja | Temat wystąpienia |
| 11:00-11:30 | Oana Dima, dr, Dyrektor Wykonawczy EU-SAGE  | VIB-UGent Center for Plant Systems Biology, Uniwersytet Gent, Belgium | Rola naukowców zrzeszonych w EU-SAGE (European Sustainable Agriculture through Genome Editing) we wdrażaniu regulacji dotyczących nowych technik genomowych w hodowli roślin w Europie. Baza roślin uzyskanych technologiami NGT dostępna na stronie EU-SAGE |
| 11:30-12:00 | Małgorzata Woźniak, Naczelnik Wydziału Bezpieczeństwa Białkowego i Roślinnych Zasobów Genowych | Ministerstwo Rolnictwa i Rozwoju Wsi, Departament Hodowli i Ochrony Roślin | Nowe techniki genomowe z perspektywy przepisów UE |
| 12:00-12:20 | Paweł Krajewski, prof. dr hab. | Instytut Genetyki Roślin PAN | Uwagi o metodach obliczeniowych i zarządzaniu danymi dla nowych technik genomowych |
|  | **Sesja 1 (c.d.) Aspekty społeczno-prawne** |
| 12:30-12:45 | Karol Marciniak, dr, Prezes PIN i HR Smolice | Polska Izba Nasienna i Hodowla Roślin Smolice Sp. z o.o. Grupa IHAR | NGT – nadzieje i obawy z punktu widzenia hodowli roślin  |
| 12:45-13:00 | Tomasz Zimny, dr, prawnik | Instytut Nauk Prawnych Polskiej Akademii Nauk | Rośliny NGT w świetle przepisów o GMO, zagadnienia związane z regulacją i prawem patentowym |
|  | 13:00 – 14:00 – lunch |
|  | **14:00 – 16:00****Sesja 2. Kierunki rozwoju technologii NGT i przydatność w gospodarce i hodowli roślin (technologie, geny, cechy)**Prowadzą: prof. dr hab. Arkadiusz Kosmala - KNA PAN; prof. dr hab. Rafał Barański – KB i KNA PAN |
| 14:00-14:30 | Wacław Orczyk, prof. dr hab. | Zakład Genomiki Funkcjonalnej, Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin - Państwowy Instytut Badawczy | Technologia CRISPR/Cas stan obecny i perspektywy rozwoju |
| 14:30-15:00 | Dariusz Grzebelus, prof. dr hab. | Katedra Biologii Roślin i BiotechnologiiWydział Biotechnologii i OgrodnictwaUniwersytet Rolniczy w Krakowie | Igły w stogu siana, czyli jak wytypować geny do edycji |
| 15:00-15:30 | Rafał Barański, prof. dr hab. | Katedra Biologii Roślin i Biotechnologii, Wydział Biotechnologii i Ogrodnictwa, Uniwersytet Rolniczy w Krakowie | Odmiany roślin NGT dopuszczone do uprawy |
| 15:30-16:00 | Magdalena Żuk, dr hab., prof. UWR | Zakład Biochemii Genetycznej, Wydział Biotechnologii, Uniwersytet Wrocławski | Wykorzystanie technologii OLIGO do indukcji ukierunkowanych zmian epigenetycznych w genomie roślinnym |
| **8 kwietnia 2025** |
| **9:00 – 11:30****Sesja 3. Zaawansowanie badań w Polsce –** **od adaptacji technologii do pierwszych osiągnięć** Prowadzą: prof. dr hab. Anna Nadolska-Orczyk – KB i KNA PAN i prof. dr hab. Dariusz Grzebelus KNA PAN |
| 9:00-9:30 | Anna Nadolska-Orczyk, prof. dr hab. | Zakład Genomiki Funkcjonalnej, Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin - Państwowy Instytut Badawczy | Edycja genomu zbóż (jęczmień, pszenica, pszenżyto) z wykorzystaniem CRISPR/Cas9 – badania Zakładu Genomiki Funkcjonalnej na rzecz ulepszania cech agronomicznych  |
| 9:30-10:00 | Artur Piński, dr | Instytut Biologii, Biotechnologii i Ochrony Środowiska, Wydział Nauk Przyrodniczych, Uniwersytet Śląski w Katowicach | Edycja genomu w gryce: duża roślina – duże możliwości  |
| 10:00-10:30 | Arkadiusz Kosmala, prof. dr hab. | Instytut Genetyki Roślin PAN | Zastosowanie CRISPR/Cas9 do edycji genomu rzepaku, ziemniaka i traw - analizy funkcji wybranych genów prowadzone w IGR PAN  |
|  | 10:30 – 11:00 – przerwa kawowa |
|  | **11:00 – 12:00** **Sesja 3 (c.d.) Zaawansowanie badań w Polsce – od adaptacji technologii do pierwszych osiągnięć** |
| 11:00-11:20 | Kloc Yuliya, dr | Zakład Genomiki Funkcjonalnej, Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin - Państwowy Instytut Badawczy | Zastosowanie CRISPR/Cas9 w edycji regulatorów szlaku sygnałowego brasinosteroidów u jęczmienia w celu zwiększenia odporności na stresy środowiskowe |
| 11:20-11:40 | Orczyk Wacław, prof. dr hab. | Zakład Genomiki Funkcjonalnej, Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin - Państwowy Instytut Badawczy | Edytowanie genów *eIF4E* jęczmienia w celu uzyskania roślin o podniesionej odporności na wirusy |
| 11:40-12:00 | Klimek-Chodacka, dr hab., prof. URK | Katedra Biologii Roślin i Biotechnologii, Wydział Biotechnologii i Ogrodnictwa, Uniwersytet Rolniczy w Krakowie | Edycja (knockout) genów marchwi - układ modelowy i badanie funkcji genów |
|  | **12:00 – 13:30** **Panel dyskusyjny + zakończenie**Prowadzi: prof. dr hab. Ewa Łojkowska - KB PAN, przedstawiciele nauki, NCN, NCBiR, MRiRW, MNiSW, przedstawiciele Spółek Hodowlanych, Polskiej Izby Nasiennej (PIN), Krajowej Grupy Spożywczej (KGS)13:30 – 14:30 – obiad |